

NOVAS ESPÉCIES BACTERIANAS ASSOCIADAS COM A PERIODONTITE CRÔNICA

Thalita Dias Silva Santos¹, Marcelo de Faveri² (Orientador) – Odontologia
thalita.santos@edu.ung.br

RESUMO

A microbiota da periodontite é complexa consistindo normalmente de bactérias anaeróbias Gram-negativas, tais como, *Porphyromonas gingivalis*, *Treponema denticola*, *Prevotella intermedia*, *Tannerella forsythia* e *Agregatibacter actinomycetemcomitans*. Por muito tempo, a análise da microbiota bucal foi dependente das técnicas convencionais de cultura, entretanto as técnicas de diagnóstico moleculares identificaram cerca de 1200 espécies de bactérias na cavidade bucal, incluindo espécies indígenas e transitórias. De modo geral, 620 espécies são mais predominantes e cerca de 35% destas ainda não foram cultivadas. Assim sendo, o objetivo do presente estudo será o de avaliar a prevalência e os níveis de determinadas espécies de bactérias ainda não cultivadas na etiologia da periodontite. Serão selecionados 15 indivíduos com periodontite crônica (PC) e 15 com saúde periodontal (SP). Todos os indivíduos foram submetidos a um exame clínico periodontal e a avaliação microbiológica. Amostras de biofilme subgingival foram coletadas de 9 sítios em cada um dos voluntários e a prevalência e os níveis das espécies *Desulfobulbus* sp. Hot041, *Eubacterium* sp. Hot081, *Megasphaera* sp. Hot123, *Treponema* sp. Hot_256_508_517, *Tannerella* sp. Hot_286, *TM7* sp. Hot_356_437 foram avaliados pela técnica *RNA-oligonucleotide quantification* (ROQT). Em relação à avaliação clínica, o grupo PC apresentou maiores médias para todos os parâmetros clínicos mensurados em comparação ao grupo SP ($p < 0,05$). Indivíduos com PC mostraram um aumento significativo nos níveis e prevalência de *Desulfobulbus* sp. Hot041, *Treponema* sp. Hot_256_508_517 e *TM7* sp. Hot_356_437 enquanto as outras espécies não apresentaram diferenças entre os grupos ($p < 0,05$). *TM7* sp. Hot_356_437 foi o único filotipo ainda não cultivado que apresentou uma correlação positiva com o aumento da PS ($r > 0,5$; $p < 0,05$). Em conclusão, as espécies *Desulfobulbus* sp. Hot041, *Treponema* sp. Hot_256_508_517 e *TM7* sp. Hot_356_437 podem apresentar uma relação com a patogênese das PC e novos estudos são necessários para confirmar estes achados.

DESCRITORES: Gene 16S rRNA; Periodontite Crônica; Periodontite Agressiva; Espécies ainda não cultivadas.

Aprovação do CEP – CAAE - 24761213.6.0000.5506

Projeto elaborado com o apoio do Programa Institucional de Iniciação Científica da Universidade Guarulhos – PIBIC-CNPq (rodada I-2013).

¹ Graduanda do Curso de Odontologia da Universidade Guarulhos

² Professor do Curso de Odontologia da Universidade Guarulhos